

003470 "044301"

CACCTACATGCCAGGAATCTGGAGGAGACGGGCGAGGAGCCACCATGCAACCAACCCAGAGCTCCTGCC
CGGCAGCCCCCAGATCTGAGGATGCTGGAGCCCTCTCTATGCAAGGAGAGATCAACTTCGGAGGG
CTGCGAAGAGCGAGGCAAGTTTGTGAGGTCGCAAGCAGTGTGCCCCCTCCGTGCTTTTGAACCTCT
CTCACCAGTGGCACCCTGCCAGCCCCAACCCTGCTGCTCTCCCTGCTGGGTGAGGAACGACCTTTGGCTAT
GAACTCCTGCTTCCGGATGCTCTGCGCAGCGGCTGCTGAGGAGAGCTCAGAGCACAGGTGCCCTGGATCC
TGACCAGTCCCTCCACGTGGCCCTGGCCCGCATETTGACAAAGCTGTACGTGATCACTCTCTGGCTAGC
ACATCCACCAAGATCCGTGTAGTGGCCATCGGAATGGCCCTCTCTGGATCGAATCCTTCACCGTCAACTTC
AGATGGTGTCCACCAAGAGGATACTCCCATCCACTACCCAGCAGATGAGGGCAACATTACAGGGACCCC
TCTGCCCTCTGGACAGCAATCTCTCCACTTCATCTTGTGAGTCAAGCGCCCTTGGGAGTGGGAACGAC
CGCTGACAGAGCTGCAGCTGAGCCTCGAGAAACCACTCTCTCAGCAGAGGACAGGTATGGGGGACACAG
CTGCATCCAGATACCTGCTCTTGGCTGTGGTCAATGGTGACCCCAACCCCTAGAGAGGATTTCCAGGG
CAGTGGCAGGCTGCCCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG
CTGAGCCAGCCTCATCTCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG
TTTCTCTTGGGAAGCCATTGTACACTGGACAGAGCTGTACAGAACTTCTGTCACACCCCCACCTGCTCA
CAGTATATGACTTCGAGCAGGAGGGTTCGAGGACCTGGACACTGTATCTCTCAAGGCACTTGTGAAAGCC
TGCAAGAGCCACAGCCAGAGGCCAAGACTACCTAGATGAGCTCAAGTAGCAGTGGCCTGGGATCGCGT
GGACATTGCCAAGAGTGAATCTTCAATGGGGACGTGGAATGGAATCTGTGACTTGGGAAGAGGTGATGA
CAGATGCCCTCTGAGCAACAGCCTGACTTTGTCCGCTCTTGTGGACAGCGGTGCTGACATGGCCGAG
TTCTTGACCTATGGGGGCTGAGCAGCTTTACCATTCTGTGCTCCCCAGAGCCTCCTCTTTGAACCTGCT
GCAGCCTAAGCATGAGGAGGGTAGGCTGACACTGGCCGGCTTGGGTGCCAGCAGGCTCGGGAGCTGCCCA
TTGGTCTGCCCTGCTTCTCACTCCAGAGGTCTCCCGCTACTCAAGACTTCTGCTGATGACGCCCTGCCGT
GGCTTCTACAGGACGGGGCGAGGATGGAGGAGAGAGGGCCACCTAAGCGGCCCGCAGGCCAGAAGTGGCT
GCCAGACTCAGTAGGAGAGTGAAGACCTTGGAGGACCTGTTCTCTGGGCTGTGCTGCAGAATCGTT
ATGAGATGGCCACATCTTCTGGCCATGCGCCGAGGCTGTGGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG
ATTAAGCAATGTCCCACTGGAGAAAGAGGCGAGGTGGCCCGCACCATGCGTGAGGCCAAGTATGAGCA
GCTGGCCCTGGATCTTTCTCAGAGTGTACGGCAACAGTGAGGACCTGCTTGTGGCTGCTGGTGGCA
GGAACCAAGCTGGAGCAGGACCACTGCTGACCTGCGCACTGAGCTGATGCCAAGGCCCTTCTTTGCC
CATGACGCTGTGCAAGCATTCTGACCAAGATCTGCTGGGAGACATGCCACAGGCACACCCATCCTACG
GCTTCTGGGTGCTTCACTGCCCCAGCCCTCATCTACACAACTCATCTCTTCAAGTGGGATGCCCGC
AGAGGATGGACCTAGAGATCTGCAGGAGCCAGACAGCTTGGATATGGAAAGAGCTTCTATGCAGCCGG
GGTGGCCATTGGAGAGCTAACAGAGGCCAAGGGCTCCAGGCGATCAGGCCACAAAGCTGCCCTCTCT
GCTCACACGCTGGAGGAAGTCTGGGGCGCTCTGTGACTGTGTTCTGGGAATGTGGTCTGTTACTTC
CATTTCTCTCTCTGTTACCTATGTCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT
GAGGTTACCTCTATTTCTGGGTGTTCACTGCTGCTGAGGAGATCCGACAGGGCTTCTTACAGATGA
GGACACGCACTGGTGAAGAAATCTCTGTATGTGGAAGACACTGGAACAAGTGTGACATGGTGGCCA
TCTTCTGTTTCTGTTGAGGAGTCACTGTAGAAATGGTGCCCTCGGTGTTGAGGCTGGCAGGACCGTCTG
GCCATTGACTTCATGGTGTTCACACTTCGGCTCATCCACATCTTTGCTATTCACAAGCAGTTGGGTCTTA
GATCATCATGTAGAGCGAATGATGAAGGATGTCTTCTTTTCTCTTCTTCTTCTGAGCGTATGGCTTGTGG
CCTATGGTGTGACCACTCAGGCCCTGCTGCATCCCCATGATGGCCGTTTGGAGTGGATTTTCCGCCGTGT
CTATACAGGCCCTTACCTGCAGATCTTTGGGCAAAATCCCTCTGGATGAATGATGAGGCTCGTGTGAAC
TTCTCTTCACCCTCTGCTGCTGGAAGCTCGGCTTCTGCTGCTTAACTCTCTATGCCAAGTGGCTGGTCATTC
TCCTGCTGCTTACCTTCTGCTGTCTACTAATGTGCTGCTCATGACCTTCTGATGCCATGTTCTAGCTAC
ACATTCCAGGTGTGCAAGGCAATGCAGACATGTTCTGGAAGTTTCAAGCTACCACCTCATCGTTGAATA
CCATGGAAAGACAGCTCTGGCCCGCTTCTCATCTGCTCAGCCACCTGAGCCTGGTGGCTCAAGCAGGTCT
TCAGGAAGGAAGCCAGCATAGCGACAAACATCTGGAGAGAGACTTGCCTGACCCCTTGGACCAGAAGATC
ATTACCTGGGAACGGTTCAAAGGAGAACTTCTGAGTACCATGGAGAACGGAGGAGGGACAGCGAGGG
GGAGGTGCTGAGGAACGGCACACAGAGTGGACTTGATTGCCAAATACATCGGGGGCTGAGAGAGCAAG
AAAAGAGGATCAAGTGTCTGGAATCACAGGCCAACTACTGTATGCTCCTCTTGTCTCTATGACGGATACA
CTGGCTCCAGGAGGCACCTACTCAAGCTCTCAGAACTGTGGTTGCAGGAGTCAGCCAGCCTCTGCTAGAGA
CAGGGAGTACCTAGAGTCTGGCTTGGCACCTCTGACACCTGAATGGAGAAACCACTTGCTCTAGAGCCC
CAGACCTGGCCCATCGAGTTTTTGGGGCACATCAACCTTCCCCCACTCCAGCAGCCCCAAGAAATGGTCT
TCAAGGCCTTGCTACAGATCACTTCTTGGACATCCCTTCTTAAAGAAATGAAACTCATGTCTTTGGCATCT
ATTCCGGAGCCTCAGAAATCTCTCTCAGCAGGGCAAGATTTTTCTGTCCCACTAAAGCTTTCACTGGC
TTGGACTGGACAGCTGGATCTGGCCAACTCTACATAGGACACCATCTGCCCTGGATGGGGCTATTTAGGTC
TAACCCCTGTCTTACCTGAGTTCCTAAGAAAGCCAACTCTTAAACACTAGGTTTCTTTCTGACCCCTGAC
CCACTCATTAGCTGACCAAGCTCTAGAGGGCAGGACTCAGATCTATTGTAATTACCTCCATCTTTACCC
CCCACAGCATATCTGTCTGATCATTCTGGCAGAAACCCCAAGATATTGCTCAAGGGTACCCAATGCTACT
TTACTTTCTATAAGCCTGTAGACCACCTCAAAALAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

Figure 1
(Sheet 1 of 17)
AP32911

MOTTQSCPCSHFDTEGWEI JLCRGEJNFGGSGKKRKFVKVFSVAFSVIFELLITWHLFAPNLVVSIVGEERPLAMKSWLRDVL
 KGLVKAQSTGAWILTEALHVGLAKHVGCQAVADHSLASTETKIAVVAJGMALEDJLHKQLLDGVHOKEDTPIHYPADEGNIQGPLCFI
 DENLSHFILVESGALGSGNDGLTELQLSLEKHSQORTGYGGTSCIOJFVLCLLVNGDPNTLERISRAVEQZAPWLJLAGSGGIADVLA
 ALVSPHLLVPOVAEKQFREKTFSECFSEWELVHWTELLQNIAAHHLITVYDFEQEGSEDDDTVILKALVKACKSHSQEAQDYLDLY
 LAVAWDAVDJAKSEJFNGDVEWKS CDLEEVMTDALVENKFDVLFVDSGADMAEFLTYGRLOCLYHSVSFKSLLFELLQKHEEGRLT
 LAGLGAQQAHLPIGLIAFSLHVSRLKDFLHDACHGFYQDGRMEERGIKKRIAGOKWLFDLKAKSEDPWRDLFLWAVLQNRYMATY
 HAMMGEVAAALACKJJKEMSHLEKEAEVAKMREAKYEQLALELFS ECGNSEKAFALLVAAHNSWSRTTCLHLATEADAKAFFA
 EDGVQAFITKJWWGDMATGTPJLALLGAFTCFALITYTNLISFSEDAPQMDLEDLQEPDSIDMEKSF LCSRGGQLEKLTEAPRAPGDLG
 LQAAFIILLFWKKFWGAFVTVFLGNVVMYIAFLFLFTYVLLVDFRIIPQGISSEVTLYFWVFTI VLEEJ RQGFFTDDETHLVKKFTLYV
 EDNWNKCDMVAIFLFI VGVTCRMVPSVFEAGRTVLADFMVFTLALJHIFAJHKQLGPKIJJVERMMKDVFFFLFFLSVWLVAYGVTTQ
 ALLHFDGRLWIFRVLKPYLQJFGQJFIDEJDLARVNCSELPFLLESASCFNLYANWLVI LLLVTFLVTVNLLMNLLIAMFSYJ
 FQVVQGNADMFWKFORYHLIVEYHGRPALAPFFI LLSHLSLVLKQVFRKEAQHKRQHLEKDLFDPLDQKIJTWETVQKENFLSTMEKRF
 ESEGEVLAKTAHVDLIAKYJGGLREQEKIKCLESQANYCMLLISMTDILAPGGTYSSQNCGRSQPASARDREYLESGLPPSDT

Figure 2
 (Sheet 2 of 17)
 AP32911

Human TRF nucleotide sequence

SEQ New: 3498 bp:

Composition: 634 A; 1089 C; 1143 G; 632 T; 0 OTHER

Percentage: 18% A; 31% C; 33% G; 18% T; 0% OTHER

Molecular weight (kDa): ssDNA: 1081.34 dsDNA: 2157.1

ORIGIN

1 ATGCAGGATG TCCAAGGCC CCGTCCCGGA AGCCCCGGCG ATGCTGAAGA CCGGCGGGAG
 61 CTGGCTTTCG ACAGGGGCGA GTCAACTTT GGAGGGTCTG GGAAGAAGCG AGGCAAGTTT
 121 GTACGGGTGC CGAGCGGAGT GCGCCCGTCT GTGCTCTTTC ACCTGCTGCT TGCTGAGTGC
 181 CACCTGCCGG CCCCCAACCT GTGCTGTCTC CTGCTGGTGC AGGAGCAGCC TTTCCGCATG
 241 AAGTCTTGGC TCAGGGATGT GTTCCGCAAG GGGCTGGTGA AGGCGGCTCA GAGCACAGGA
 301 GCCTCGATCC TGACCACTGC CCTCCGCGTG GGCTGGCCA GGCATGTCTG GCAGGCCGTG
 361 CGCGACCACT CGCTGGCCAG CACGTCCACC AAGGTCCGTG TGCTTGTCTG CGGCATGGCT
 421 TCGCTCGGCC GCGTCTGCA CCGCCGCTTT CTGGAGGAGG CCGAGGAGGA TTTTCTCTGT
 481 CACTACCTTC AGGATGACGG CGGCAGCCAG GGCCCCCTCT GTTCACTGGA CAGCAACCTC
 541 TCCCACCTCA TCCTGCTGGA GCCAGCCCCC CCGGGGAGG GCGATGGGCT GACGGAGCTG
 601 CGGCTGAGGC TGGAGAGCA CATCTCGGAG CAGAGGGCGG GCTACGGGGG CACTGGCAGC
 661 ATCGAGATCC CTGTCTCTG CTGCTGGTC AATGGTGATC CCAACACCTT GGAGAGGATC
 721 TCCAGGGCCG TGGAGCAGGC TGCCCCGTGG CTGATCCTGG TAGGCTCGGG GGGCATCGCC
 781 GATGTGCTTG CTGCCCTAGT GAACCAAGCC CACCTCCTGG TGCCCAAGGT GGCCGAGAAC
 841 CAGTTTLAGG AGAAGTTCCC CAGCAAGCAT TTCTCTTGGG AGGACATCGT GCGCTGGACC
 901 AAGCTGCTGC AGAATATCAC CTCACACCAG CACCTGCTCA CCGTGTATGA CTTCGAGCAG
 961 GAGGGCTCCG AGGAGCTGGA CACGGTCAAT CTGAAGGCGC TGGTGAAAGC CTGCAAGAGC
 1021 CACAGCCAGG AGCCTCAGGA CTATCTGGAT GAGCTCAAGC TGGCCGTGGC CTGGGACCGC
 1081 GTGGACATCG CCAAGAGTGA GATCTTCAAT GGGGACGTGG AGTGGAAGTC CTGTGACCTG
 1141 GAGGAGGTGA TGGTGGACGC CTTGGTCAGC AACAAGCCCC AGTTTGTGCG CCTCTTTGTG
 1201 GACACCGGCG CAGACGTGGC CGACTTCCTG ACCTATGGGC GGCTGCAGGA GCTCTACCGC
 1261 TCCGTGTAC GCAAGAGCCG GCTCTTCGAC CTGCTGCAGC GGAAGCAGGA GGAGGCCCGC
 1321 CTGACGCTGG CCGGCTTGGG CACCCAGCAG GCCCGGGAGC CACCCGCGGG GCCACCGGCC
 1381 TTCTCCCTGC ACGAGGTCTC CCGCTACTC AAGGACTTCC TGCAGGACGC CTGCCGAGGC
 1441 TTCTACCAGG ACGGCCGGCC AGGGGACCGC AGGAGGGCGG AGAAGGGCCC GGCCAAGCGC
 1501 CCCACGGGCC AGAAGTGGCT GCTGGACCTG AACCAGAAGA GCGAGAAGCC CTGGCGGGAC
 1561 CTETTCCTGT GGGCCGTGCT GCAGAACCGC CACGAGATGG CCACCTACTT CTGGGCCATG
 1621 GGCCAGGAAG GTGTGGCAGC CGCACTGGCC GCCTGCAAAA TCCTCAAAGA GATGTGCAAC
 1681 CTGGAGACGG AGGCCGAGGC GGCCCGAGCC ACGCGCGAGG CGAAATACGA GCGGCTGGCC
 1741 CTTGACCTCT TCTCCGAGTG CTACAGCAAC AGTGAGGCCC GCGCCTTCGC CCTGCTGGTG
 1801 CGCCGGAACC GTGTGGGAG CAGAGCCACC TGCTGCACC TGGCCACCGA GGCTGACGCC
 1861 AAGGCTTCT TTGCCACGA CGGCGTTCAG GCCTTCCTGA CCAGGATCTG GTGGGGGGAC
 1921 ATGGCCGAG GCACGCCCAT CCTGCGGCTG CTAGGAGCCT TCCTCTGCCC CGCCCTCGTC
 1981 TATACCAACC TCATCACCTT CAGTGAGGAA GCTCCCTGA GGACAGGCCT GGAGGACCTG
 2041 CAGGACCTGG ACAGCCTGGA CACGAGAGAG AGCCCGCTGT ATGGCCTGCA GAGCCGGGTG
 2101 GAGGAGCTGG TGGAGGCGCC GAGGGCTCAG GGTGACCGAG GCCACGCTGC TGTCTTCCTG
 2161 CTCACACGCT GGCGGAAATT CTGGGGCGCT CCCGTGACTG TGTTCTTGGG GAACGTGGTC
 2221 ATGTAATTTC CTTTCTCTT CTGTTCACC TACGTCTGCT TGGTGGACTT CAGGCCGCCC
 2281 CCCCAGGGCC CCTCAGGGCC CGAGGTACCC CTCTACTTCT GGGTCTTTAC GCTGGTGCTG
 2341 GAGGAATATC GGCAGGGCTT CTTACAGAC GAGGACACAC ACCTGGTGAA GAAGTTACAA
 2401 CTGTATGTGG GGGACAATG GAACAAGTGT GACATGGTGG CCATCTTCCT GTTCATCGTG
 2461 GGTGTACCTG GCAGGATGCT GCCGTCGGG TTTGAGGCTG GCCGCACGGT CCTCGCCATG
 2521 GACTTCATGG TGTTACGCT CGGCTGATC CATATCTTTG CCATACACAA GCAGCTGGGC
 2581 CCAAGATCA TCGTGGTAGA GCGCATGATG AAGGACGTCT TCTTCTTCCT CTTCTTTCTG
 2641 AGCGTGTGGC TCCTGGCCTA CGGTGTACCC ACCCAGGCGC TGCTGCACCC CCATGACGGC
 2701 CGCCTGGAAT GGATCTTCCG CCGGGTGCTC TACCGGCCCT ACCTGCAGAT CTTGCGCCAG
 2761 ATCCCACTGG ACGAGATTGA TGAAGCCCGT GTGAAGTGT CCACCCACCC ACTGCTGCTG
 2821 GAGGACTCAC CATCTGCCC CAGCCTCTAT GCCAACTGGC TGGTCATCCT CCTGCTGGTC
 2881 ACCTTCCTGT TGGTACCAA TGTGCTGCTG ATGAACCTGC TCATCGCCAT GTTCAGCTAC
 2941 ACGTTCCAGG TGGTGCAGGG CAACGCAGAC ATGTTCTGGA AGTTCCAGCG CTACAACCTG

Figure 3A
 (Sheet 3 of 17)
 AP32911

Human TFF8 protein coding sequence
 Translation of Htrp8coding(1-3498)
 Universal code
 Total amino acid number: 1165, MW=13128.
 Max CRT: 1-3495, 1165 AA, MW=13128.

ORIGIN

| | | | | | |
|------|------------|------------|------------|------------|------------|
| 1 | MQDVQGFPG | SPGDAELARE | LGLHFGEVNF | GGSGKKRGKF | VRVPSGVAPS |
| 10 | VLFDLLEAEW | HLFAFNLVVS | LVGEEQFFAM | KSWLRDVLRK | GLVKAAQSTG |
| 100 | AWILTSLRV | GLARHVGOAV | ADHCLASTST | KVRVVAVGMA | SLGRVLHRRK |
| 150 | LEEAQEDFPV | HYPEDDGGSQ | GFLCSLDSNI | SHFILVEPGP | PGKGDGLTEL |
| 200 | RLRLERHISE | QRAGYGGTGS | IEIFVLCLIV | NGDPNTLERJ | SRAVEQAAPK |
| 250 | LILVSGGGLA | DVLAALVNQF | HLLVPKVAEK | QFKEKFPSKH | FSWEDIVRWI |
| 300 | KLLQNTISHQ | HLLTVYDFEQ | LGSEELDTVI | LKALVKACKS | HSQEPQDYLI |
| 350 | ELKLAVAWDA | VDIAKSEJFN | GDVEWKSCDL | EEVMVDALVS | NKPEFVRLFV |
| 400 | DNGADVADFL | TYGRLQELYR | SVSRKELLFD | LLQKQEEAR | LTLAGLGTQC |
| 450 | AREFFAGFFA | FSLHEVSRVL | KDFLODACRG | FYQDGRPGDR | RRAEKGPAPK |
| 500 | FTGQKWLDDL | NOKSENFWRD | LFLWAVLQNF | HEMATYFWAM | GOEGVAAALA |
| 550 | ACKILKEMSH | LETEAEAAAR | TREAKYERLA | LDLFSECYSN | SEARAFALLV |
| 600 | RNRNCWSKTT | CLHLATEADA | KAFFAHDGVQ | AFLTRIWWGD | MAAGTPILRI |
| 650 | LGAFLCFALV | YTNLITFSEE | AFLRTGLEDL | QDLDELDTCK | SPLYGLQSRV |
| 700 | EELVEAPRAQ | GDRGPRAVFL | LTRWRKFWGA | PVTVFLGNVV | MYFAFLFLFT |
| 750 | YVLLVDFRPP | POGPSGFVET | LYFWVFTLVL | EEIRQGFFTD | EDTHLVKKFT |
| 800 | LYVGDNWNKC | DMVAIFLFIV | GVTCRMPLSA | FEAGRTVLAM | DFMVFTLRLI |
| 850 | HIFAIHKQLG | PKIIVVERMM | KDVFFFLFFL | SVWLVAYGVT | TOALLHPHDC |
| 900 | RIEWIFRVL | YRPYLOIFGQ | IPLDEIDEAR | VNCSTHPLLL | EDSPSCPSLY |
| 950 | ANWLVIILLV | TFLLVTVNLL | MNLLIAMFSY | TFQVVQGNAD | MFWKFORYNL |
| 1000 | IVEYHEFPAL | APPFILLSHL | SLTLRRVFKK | EAHKREHLE | RDLPDPLDQK |
| 1050 | VVTWETVQKE | NFLSKMEKRR | RDSEGEVLRK | TAHRVDFIAK | YLGGLREQEK |
| 1100 | RIKCLESQIN | YCSVLVSSVA | DVLAQGGGPR | SSQHCGECSQ | LVAADHKGGI |
| 1150 | DGWEQPGAGQ | PPSDT* | | | |

Figure 4
 (Sheet 5 of 17)
 AP32911

09347-0430

| 姓名 | 性别 | 年龄 | 籍贯 | 职业 | 文化程度 | 健康状况 | 婚姻状况 | 子女情况 | 其他 |
|-----|----|----|------|----|------|------|------|------|----|
| 王德胜 | 男 | 45 | 山东 | 工人 | 小学 | 良好 | 已婚 | 2 | |
| 李秀英 | 女 | 38 | 河北 | 农民 | 初中 | 良好 | 已婚 | 1 | |
| 张国强 | 男 | 52 | 河南 | 干部 | 高中 | 良好 | 已婚 | 3 | |
| 刘小红 | 女 | 25 | 江苏 | 教师 | 大学 | 良好 | 未婚 | 0 | |
| 陈大伟 | 男 | 30 | 浙江 | 学生 | 高中 | 良好 | 未婚 | 0 | |
| 赵子龙 | 男 | 40 | 湖北 | 工人 | 小学 | 良好 | 已婚 | 2 | |
| 周美兰 | 女 | 35 | 湖南 | 农民 | 初中 | 良好 | 已婚 | 1 | |
| 吴永强 | 男 | 48 | 安徽 | 干部 | 高中 | 良好 | 已婚 | 3 | |
| 孙丽娟 | 女 | 28 | 江西 | 教师 | 大学 | 良好 | 未婚 | 0 | |
| 郑大伟 | 男 | 32 | 福建 | 学生 | 高中 | 良好 | 未婚 | 0 | |
| 冯小芳 | 女 | 22 | 广东 | 工人 | 小学 | 良好 | 未婚 | 0 | |
| 马国强 | 男 | 42 | 广西 | 农民 | 初中 | 良好 | 已婚 | 1 | |
| 周美兰 | 女 | 35 | 湖南 | 干部 | 高中 | 良好 | 已婚 | 3 | |
| 吴永强 | 男 | 48 | 安徽 | 教师 | 大学 | 良好 | 未婚 | 0 | |
| 孙丽娟 | 女 | 28 | 江西 | 学生 | 高中 | 良好 | 未婚 | 0 | |
| 郑大伟 | 男 | 32 | 福建 | 工人 | 小学 | 良好 | 已婚 | 2 | |
| 冯小芳 | 女 | 22 | 广东 | 农民 | 初中 | 良好 | 已婚 | 1 | |
| 马国强 | 男 | 42 | 广西 | 干部 | 高中 | 良好 | 已婚 | 3 | |
| 周美兰 | 女 | 35 | 湖南 | 教师 | 大学 | 良好 | 未婚 | 0 | |
| 吴永强 | 男 | 48 | 安徽 | 学生 | 高中 | 良好 | 未婚 | 0 | |
| 孙丽娟 | 女 | 28 | 江西 | 工人 | 小学 | 良好 | 已婚 | 2 | |
| 郑大伟 | 男 | 32 | 福建 | 农民 | 初中 | 良好 | 已婚 | 1 | |
| 冯小芳 | 女 | 22 | 广东 | 干部 | 高中 | 良好 | 已婚 | 3 | |
| 马国强 | 男 | 42 | 广西 | 教师 | 大学 | 良好 | 未婚 | 0 | |
| 周美兰 | 女 | 35 | 湖南 | 学生 | 高中 | 良好 | 未婚 | 0 | |
| 吴永强 | 男 | 48 | 安徽 | 工人 | 小学 | 良好 | 已婚 | 2 | |
| 孙丽娟 | 女 | 28 | 江西 | 农民 | 初中 | 良好 | 已婚 | 1 | |
| 郑大伟 | 男 | 32 | 福建 | 干部 | 高中 | 良好 | 已婚 | 3 | |
| 冯小芳 | 女 | 22 | 广东 | 教师 | 大学 | 良好 | 未婚 | 0 | |
| 马国强 | 男 | 42 | 广西 | 学生 | 高中 | 良好 | 未婚 | 0 | |
| 周美兰 | 女 | 35 | 湖南 | 工人 | 小学 | 良好 | 已婚 | 2 | |
| 吴永强 | 男 | 48 | 安徽 | 农民 | 初中 | 良好 | 已婚 | 1 | |
| 孙丽娟 | 女 | 28 | 江西 | 干部 | 高中 | 良好 | 已婚 | 3 | |
| 郑大伟 | 男 | 32 | 福建 | 教师 | 大学 | 良好 | 未婚 | 0 | |
| 冯小芳 | 女 | 22 | 广东 | 学生 | 高中 | 良好 | 未婚 | 0 | |
| 马国强 | 男 | 42 | 广西 | 工人 | 小学 | 良好 | 已婚 | 2 | |
| 周美兰 | 女 | 35 | 湖南 | 农民 | 初中 | 良好 | 已婚 | 1 | |
| 吴永强 | 男 | 48 | 安徽 | 干部 | 高中 | 良好 | 已婚 | 3 | |
| 孙丽娟 | 女 | 28 | 江西 | 教师 | 大学 | 良好 | 未婚 | 0 | |
| 郑大伟 | 男 | 32 | 福建 | 学生 | 高中 | 良好 | 未婚 | 0 | |
| 冯小芳 | 女 | 22 | 广东 | 工人 | 小学 | 良好 | 已婚 | 2 | |
| 马国强 | 男 | 42 | 广西 | 农民 | 初中 | 良好 | 已婚 | 1 | |
| 周美兰 | 女 | 35 | 湖南 | 干部 | 高中 | 良好 | 已婚 | 3 | |
| 吴永强 | 男 | 48 | 安徽 | 教师 | 大学 | 良好 | 未婚 | 0 | |
| 孙丽娟 | 女 | 28 | 江西 | 学生 | 高中 | 良好 | 未婚 | 0 | |
| 郑大伟 | 男 | 32 | 福建 | 工人 | 小学 | 良好 | 已婚 | 2 | |
| 冯小芳 | 女 | 22 | 广东 | 农民 | 初中 | 良好 | 已婚 | 1 | |
| 马国强 | 男 | 42 | 广西 | 干部 | 高中 | 良好 | 已婚 | 3 | |
| 周美兰 | 女 | 35 | 湖南 | 教师 | 大学 | 良好 | 未婚 | 0 | |
| 吴永强 | 男 | 48 | 安徽 | 学生 | 高中 | 良好 | 未婚 | 0 | |
| 孙丽娟 | 女 | 28 | 江西 | 工人 | 小学 | 良好 | 已婚 | 2 | |
| 郑大伟 | 男 | 32 | 福建</ | | | | | | |

Figure 5
(Sheet 6 of 17)
AP32911

<http://azusa.proteome.bio.tuat.ac.jp/sosui/>

| | | | | |
|--------------------------------------|--------|-------|-------|-----|
| Orientation of the N-terminus of | mTrp8: | IN | | |
| Number of transmembrane helices of | mTrp8: | 6 | | |
| Position of transmembrane helices of | mTrp8: | helix | begin | end |
| | | | 731 | 751 |
| | | | 769 | 791 |
| | | | 807 | 829 |
| | | | 839 | 861 |
| | | | 870 | 891 |
| | | | 951 | 971 |

| | | | | |
|--------------------------------------|--------|-------|-------|-----|
| Orientation of the N-terminus of | hTrp8: | IN | | |
| Number of transmembrane helices of | hTrp8: | 6 | | |
| Position of transmembrane helices of | hTrp8: | helix | begin | end |
| | | | 731 | 751 |
| | | | 770 | 791 |
| | | | 807 | 829 |
| | | | 841 | 863 |
| | | | 871 | 893 |
| | | | 951 | 971 |

Figure 6A
(Sheet 7 of 17)
AP32911

09834753-041304

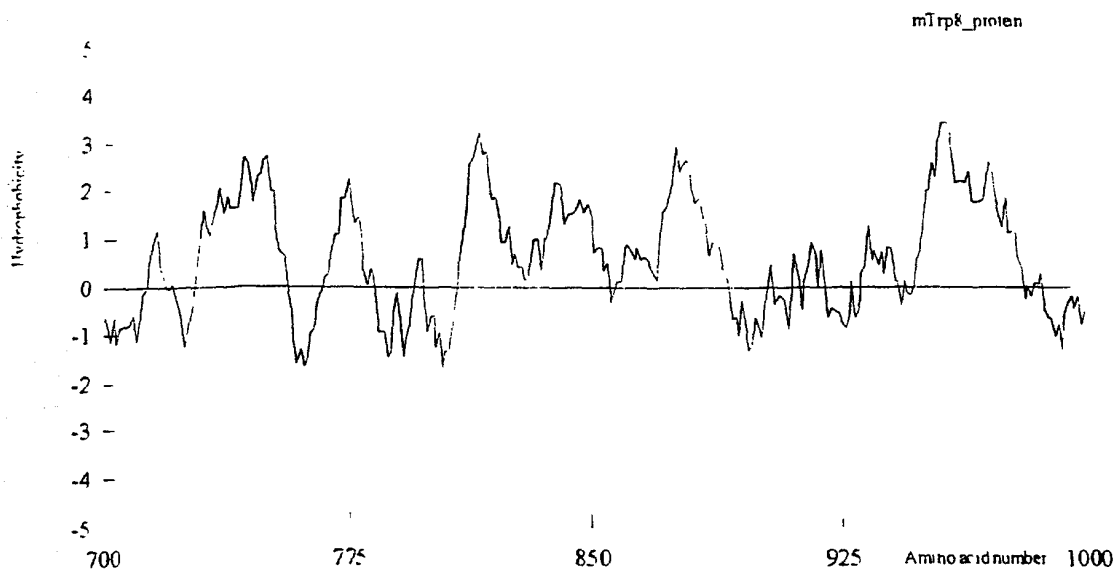
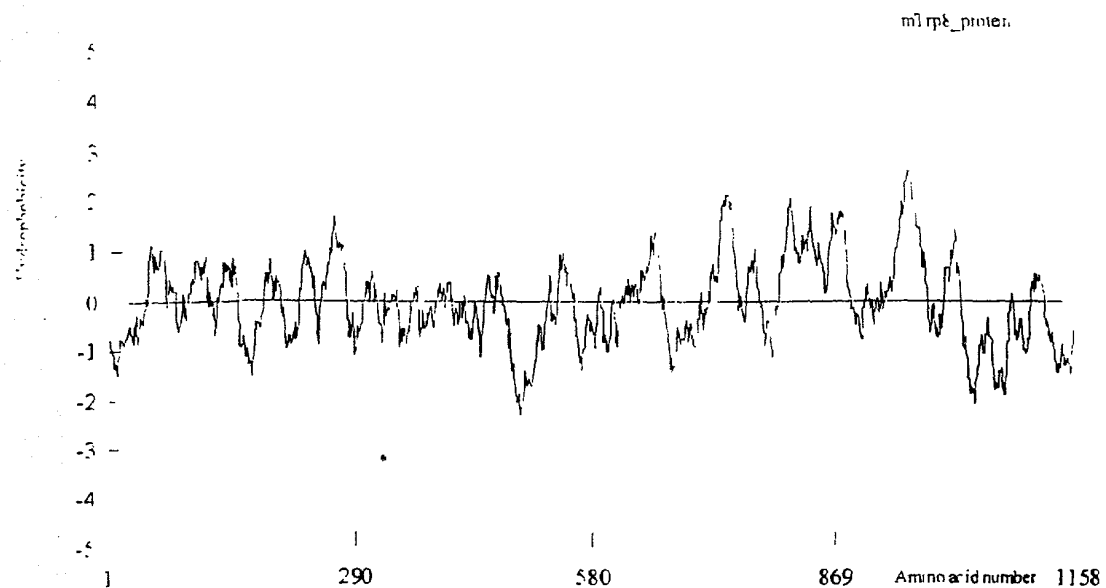


Figure 6B
(Sheet 8 of 17)
AP32911

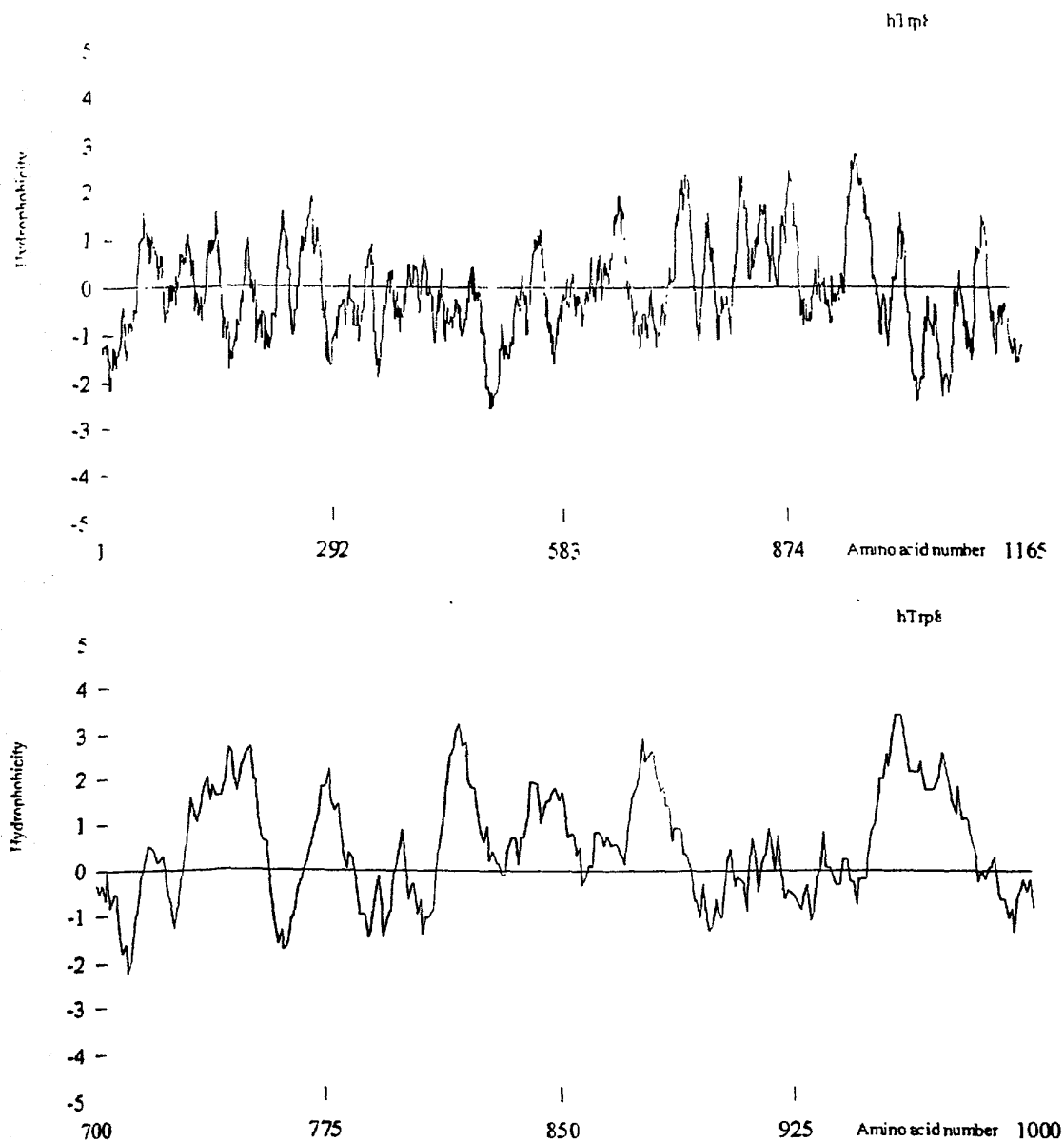


Figure 6C
(Sheet 9 of 17)
AP32911

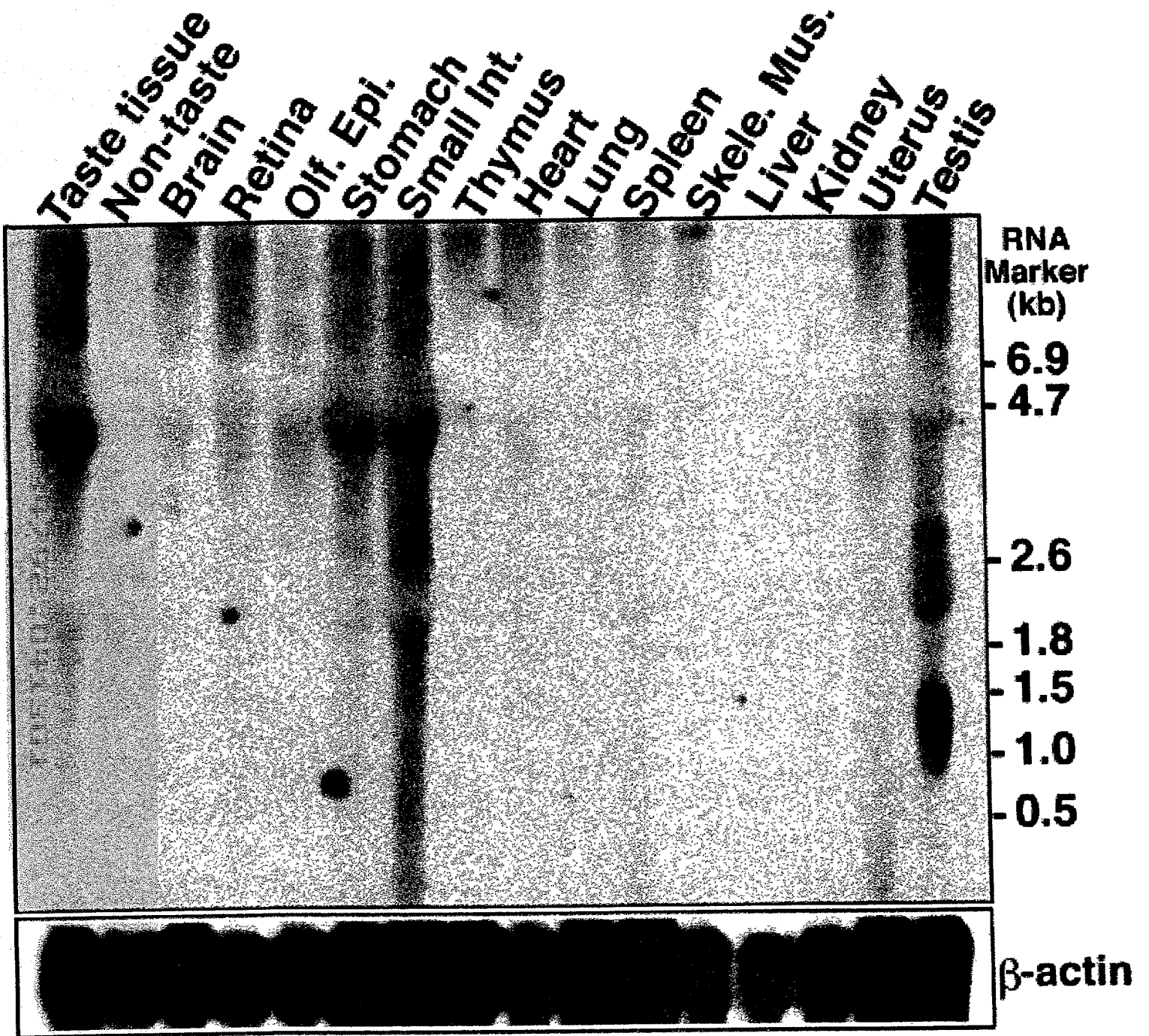


Figure 7
(Sheet 10 of 17)
AP32911

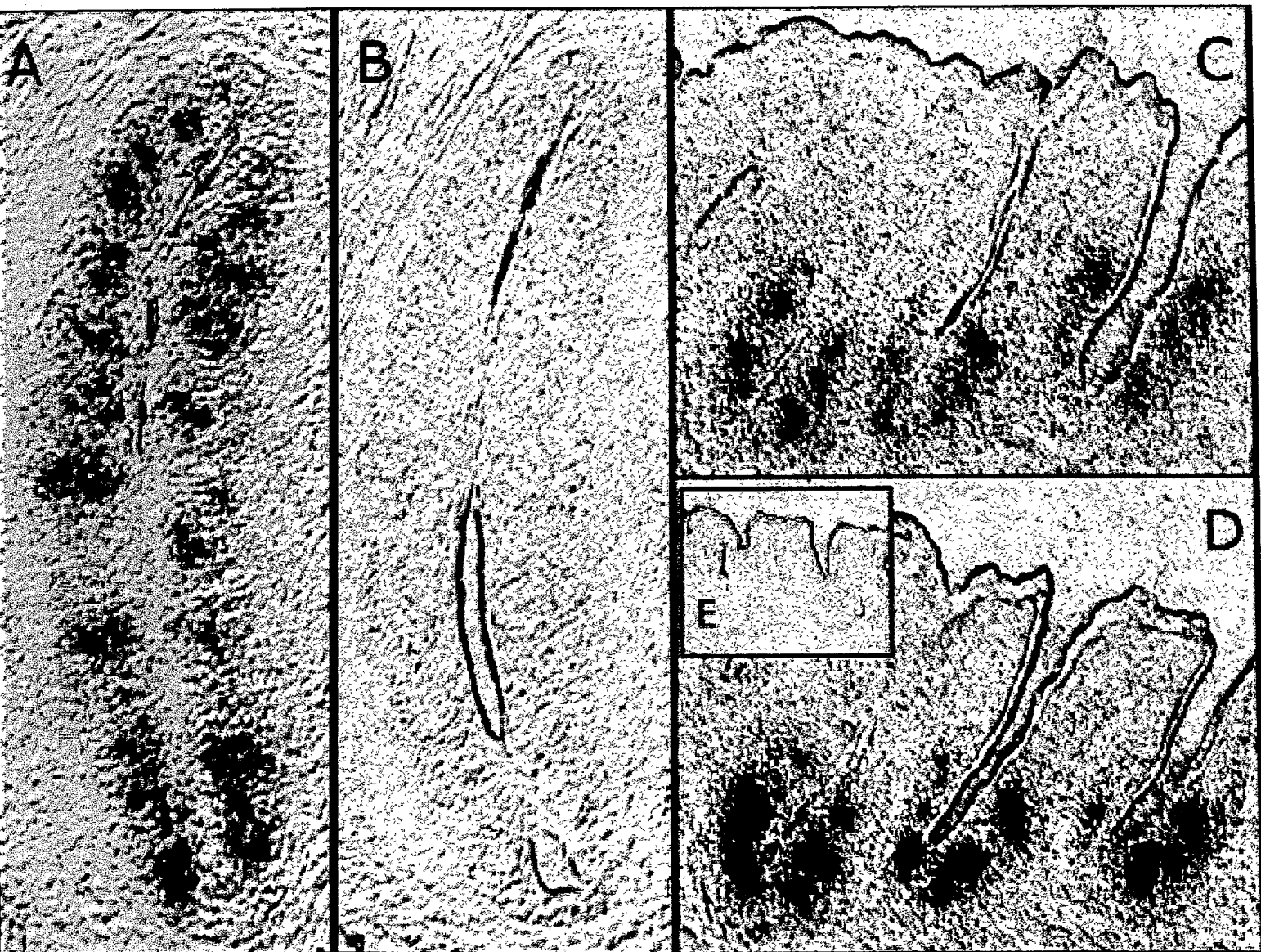


Figure 8
(sheet 11 of 17)
AP32911

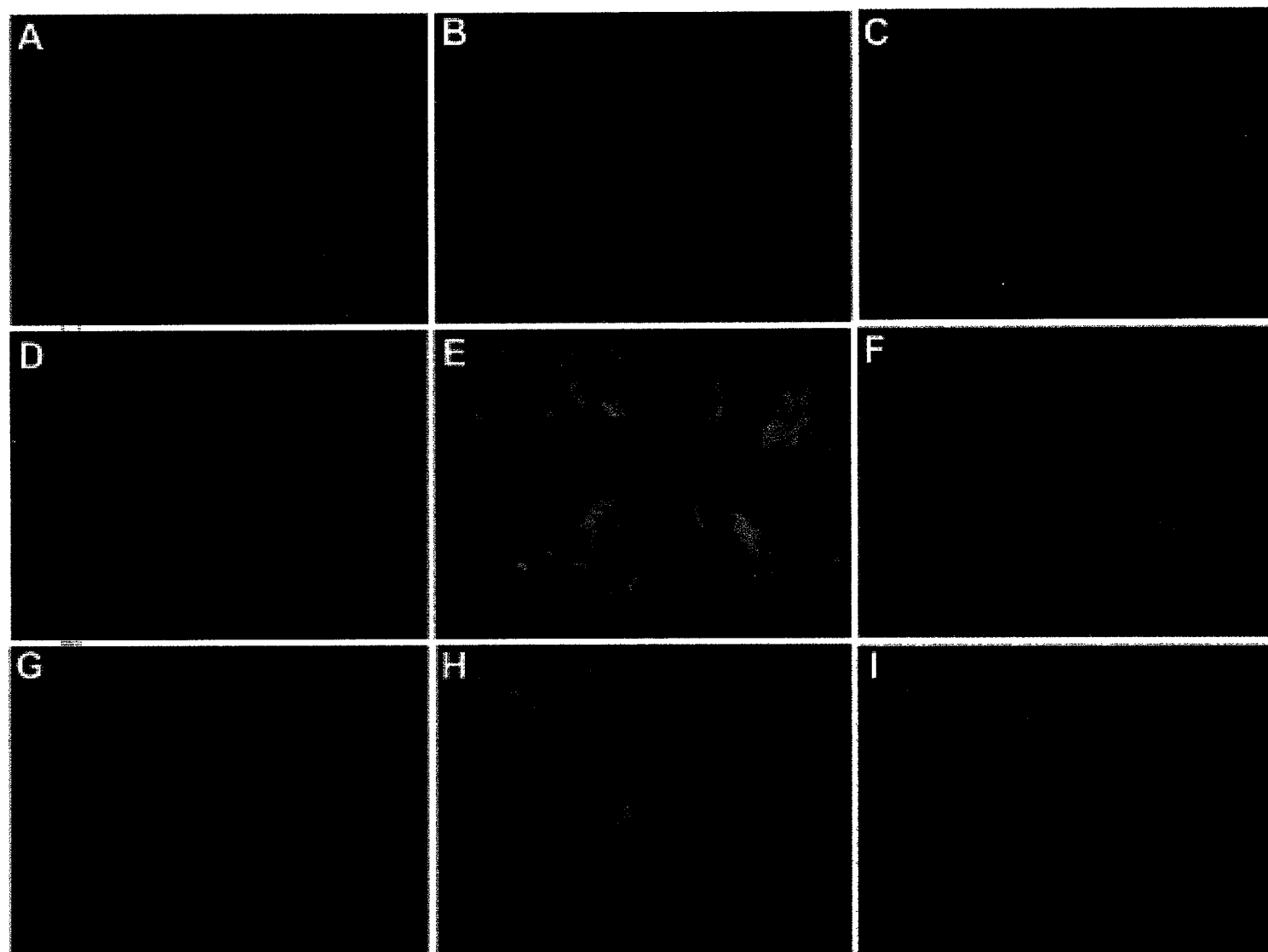


Figure 9
(Sheet 12 of 17)
AP32911

09634793-041301

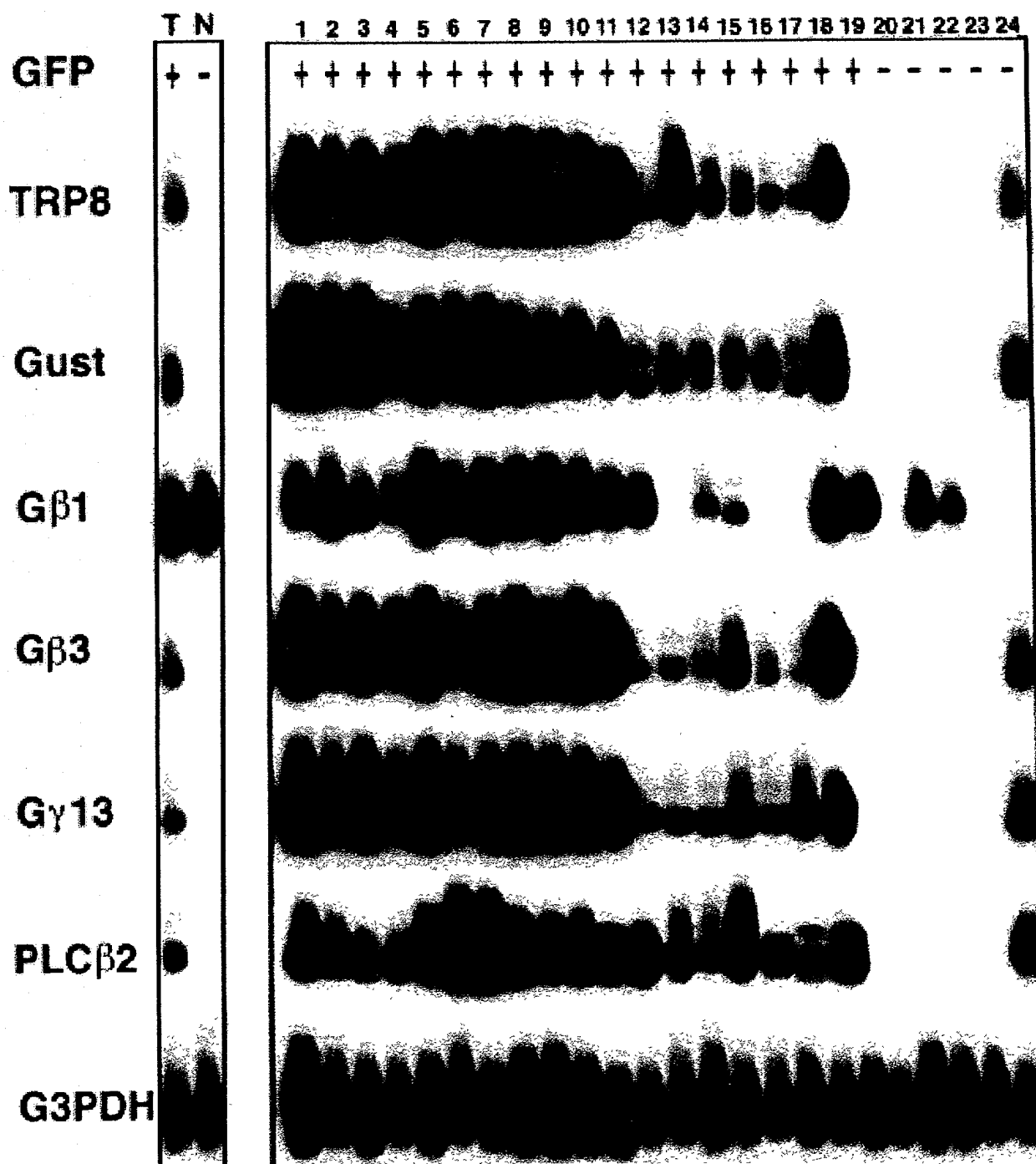


Figure 10
(sheet 13 of 17)
AP32911

TOE-00-264360

Taste

Brain

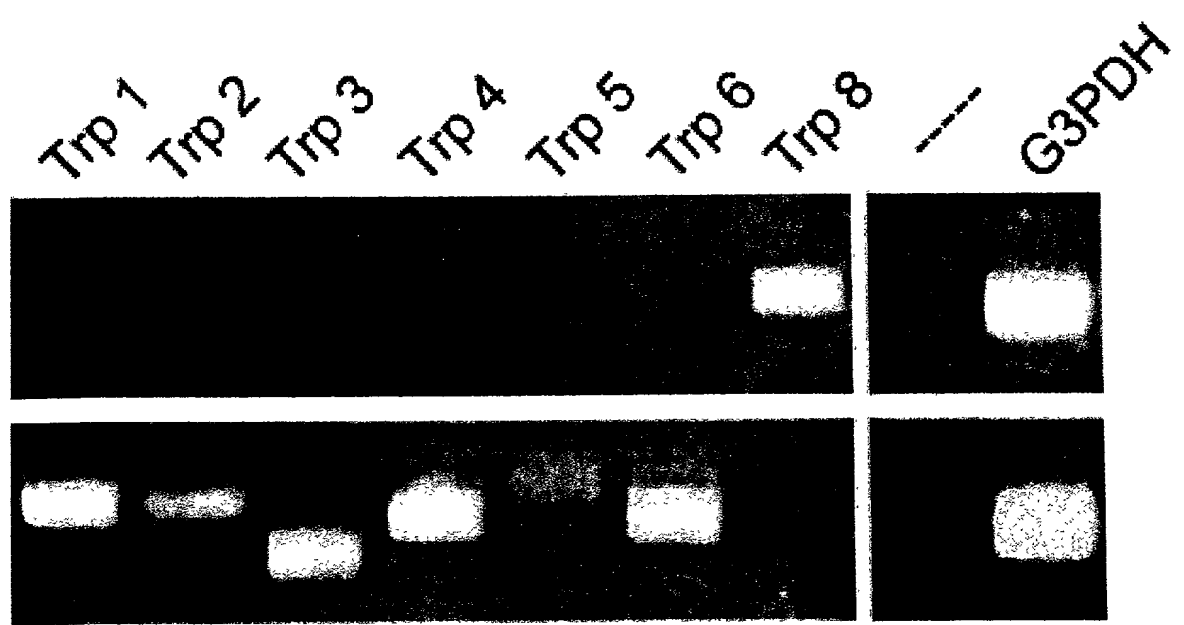
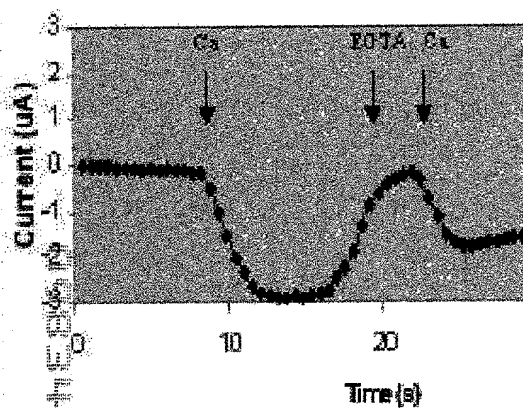
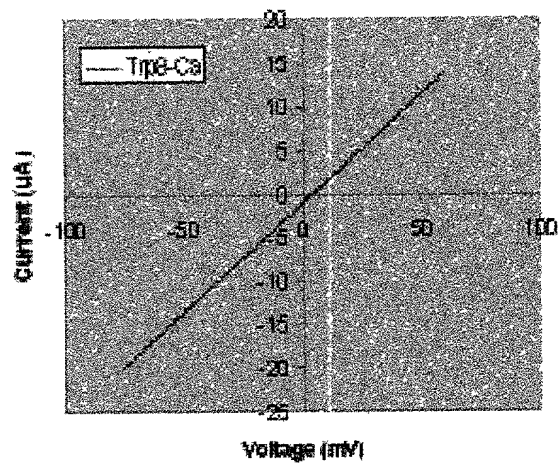


Figure 11
(Sheet 14 of 17)
AP32911

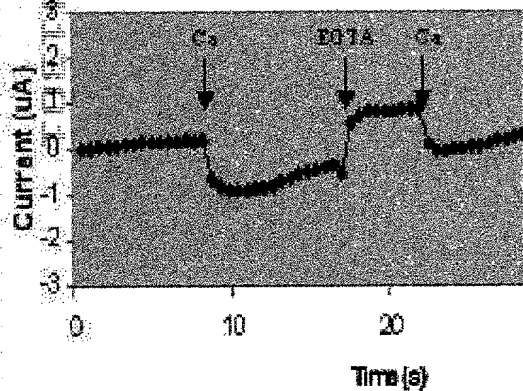
Trp8 + Thapsigargin



I-V Relationship in Trp8 Injected oocytes



H2O + Thapsigargin



Peak I_{Ca}

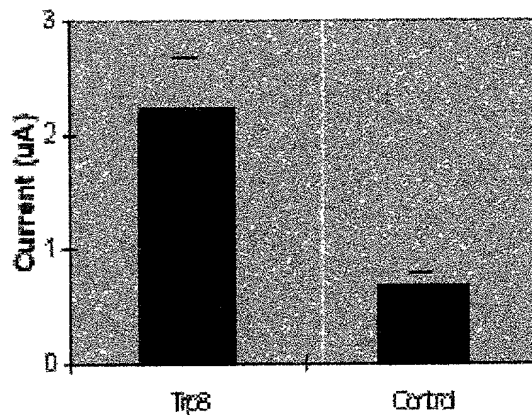


Figure 12
(Sheet 15 of 17)
AP32911

FOETHO 262HE860

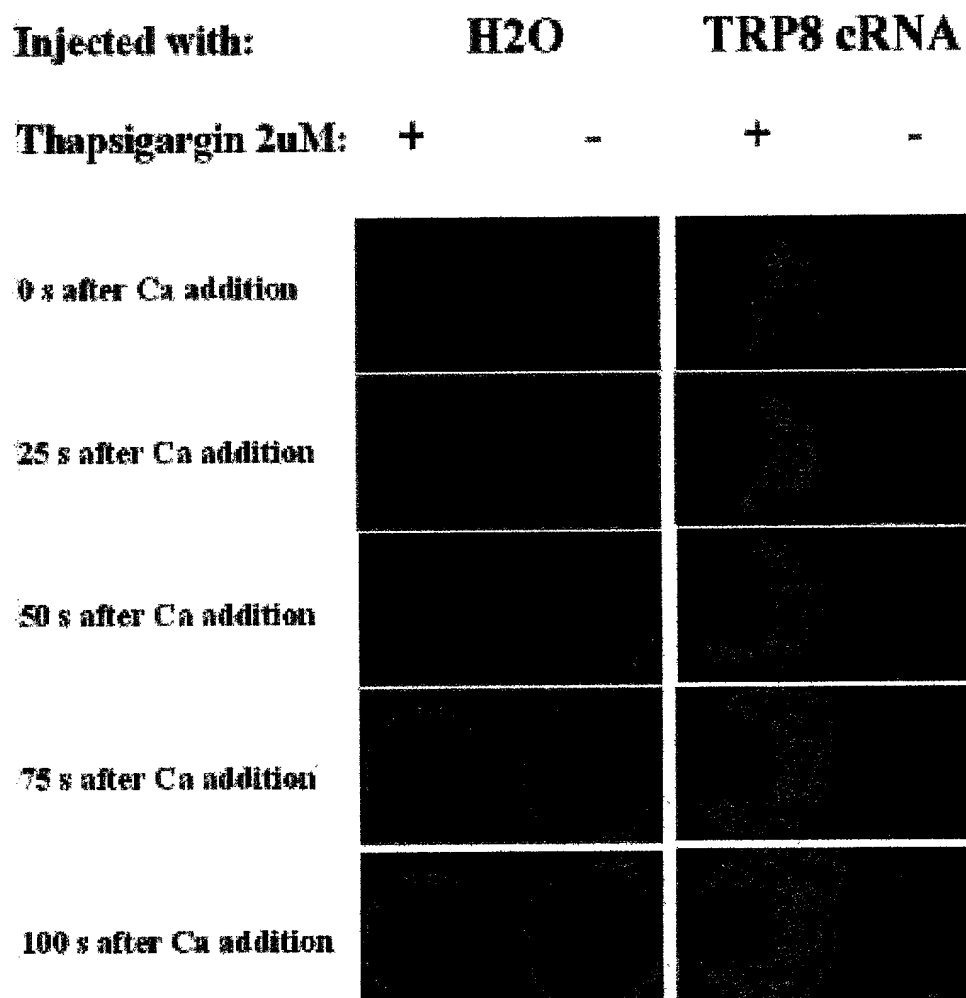
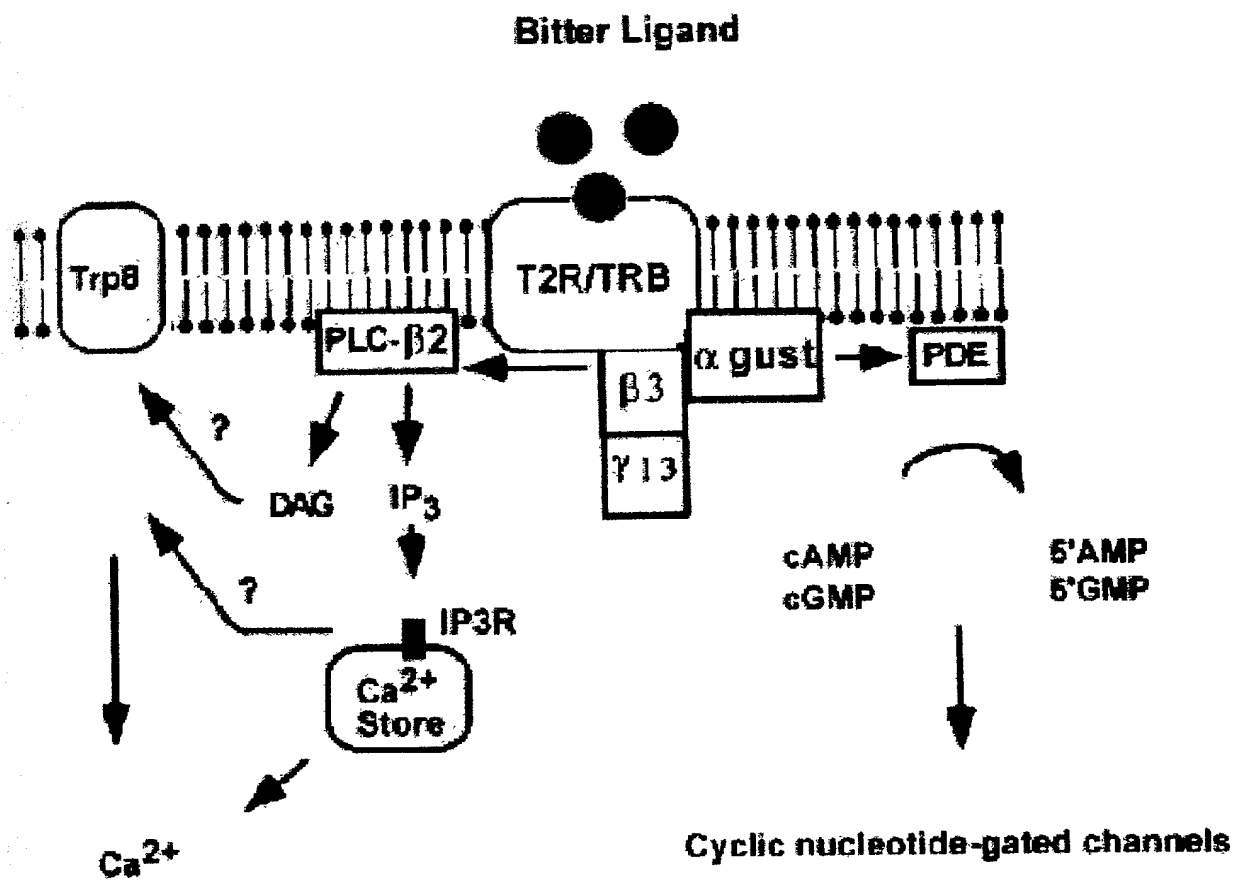


Figure 13
(Sheet 16 of 17)
AP32911

Transduction of Taste Stimuli



Modified from Kinnamon. Neuron (2000) 25:507-510

Figure 14
(Sheet 17 of 17)
AP32911